

TRUE  **DISCOVERY**[®]

HRM-MS ディスカバリープロテオミクス 受託解析サービス

独自開発された次世代DIA技術であるHRM[™]テクノロジーを採用した
網羅的なタンパク質プロファイリング

血漿、血清中、その他の体液サンプルに

 生体液バイオマーカー探索

凍結組織、FFPE、培養細胞などの固形サンプルに

 組織バイオマーカー探索

※この他のアプリケーションもご用意しています！

従来のDIA法よりも効率的にタンパク質を網羅的に解析できる2つのプラットフォーム！

DeepHT：標準的なプラットフォーム。一般的な細胞/組織サンプルにて、一度の解析で7,000～9,000種のタンパク質を同定・定量化。

UltraDeepHT：高深度なプラットフォーム。一般的な細胞/組織サンプルにて、一度の解析で約10,000種のタンパク質を同定・定量化。

世界的に評価の高いプロテオミクスソフトウェアSpectronaut[®]を採用！

本サービスは、Biognosys社で独自開発され、世界中の製薬・化粧品業界やアカデミアの研究機関で評価の高いDIAプロテオミクス用の解析ソフト「Spectronaut[®]」を利用したバイオインフォマティクスをフルパッケージで実施いたします。

本サービスは、これまで大規模プロジェクト向けのサービスでしたが、幅広い研究者様にご利用いただけるようにサンプル受入態勢を整え、小規模プロジェクトにも対応できるようになりました！

小規模
プロジェクトに
対応できるよう
になりました！！

最小受入数：12サンプルから受付

タンパク質抽出 + HRM/DIA法によるLC-MS/MS（タンパク質同定・比較定量）
+ バイオインフォマティクス（ヒートマップ、ボルケーノプロット、PCAなど）
フルパッケージの解析サービスです。

最小受入数を下回ってしまう場合でも2サンプルから受付（小規模プロジェクト）

タンパク質抽出 + HRM/DIA法によるLC-MS/MS（タンパク質同定・比較定量）
タンパク質の同定と比較定量（ピーク面積比、倍数変化（FC）、p値に基づく数値データ）ま
でとなり、下流のバイオインフォマティクスは含まれません。

【サービス価格】※このほか、サンプルの海外輸送費が別途発生いたします。

DeepHT：1サンプル **190,000円**（税別）～

UltraDeepHT：1サンプル **250,000円**（税別）～

※本サービスは提携先であるBiognosys社の解析サービスです。

フィルジェン 株式会社

Filgen[®]
biosciences & nanosciences

代理店

【お問い合わせ】受託解析部

TEL：052-624-4388 FAX：052-624-4389

メール：biosupport@filgen.jp URL：https://filgen.jp/